

Tabelle 1: Energiedichte und Nährstoffgehalte der Körnerhirse (bei 88 % TM) im Erntejahr 2022, Mittelwert für jeden Standort (über 16 Genotypen) und Genotyp (über 2 Standorte)

	N	ME <sub>Geflügel</sub>	ME <sub>Schwein</sub>	XP	Lys	Lys	Met	Met	Met+Cys	Thr	Trp	Leu	Ile	Val	Arg	His	Phe	XF	aNDFom	ADFom	XS	NFE	XA	Ca	P	vP	XL		
		MJ/kg	MJ/kg	g/kg	g/kg	g/100 g XP	g/kg	g/100 g XP	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	g/kg	
Standort	Schwarzenau (Unterfranken)	62	13,51	13,68	79	1,74	2,10	1,31	1,66	2,66	2,46	0,88	10,27	2,96	3,72	2,90	1,73	3,85	21	102	44	661	734	12	0,18	1,72	0,51	33	
	Frankendorf (Oberbayern)	59	13,51	13,59	73	1,67	2,17	1,18	1,61	2,41	2,30	0,73	9,64	2,69	3,41	2,63	1,56	3,53	25	93	43	673	739	13	0,17	3,14	0,94	31	
	Mittelwert Körnerhirse	121	13,51	13,64	76	1,71	2,14	1,25	1,64	2,54	2,38	0,80	9,97	2,83	3,57	2,77	1,65	3,69	23	98	43	667	736	13	0,17	2,41	0,72	32	
	Mittelwert Körnermais <sup>1</sup>	105	13,73	14,26	76	2,43	3,19	1,57	2,06	3,37	2,82	0,60	9,39	2,70	3,76	-	-	-	21	-	-	664	734	12	0,16	2,82	0,56	37	
	Mittelwert Winterweizen <sup>1</sup>	403	12,59	13,71	116	3,12	2,69	1,72	1,48	4,18	3,12	1,40	7,18	3,69	4,69	-	-	-	26	-	-	609	709	15	0,32	3,56	2,16	14	
Genotyp	RGT Icebergg	8	13,52	13,61	76	1,66	2,09	1,21	1,60	2,54	2,32	0,75	10,00	2,77	3,52	2,68	1,62	3,63	23	92	42	674	740	12	0,17	2,50	0,75	29	
	RGT Dodgge	7	13,66	13,72	79	1,65	1,99	1,24	1,57	2,53	2,44	0,83	10,64	2,98	3,71	2,79	1,72	3,97	21	92	41	667	733	12	0,15	2,51	0,85	35	
	RGT Huggo	8	13,49	13,63	75	1,62	2,06	1,19	1,59	2,44	2,26	0,73	9,90	2,73	3,42	2,65	1,61	3,59	22	93	43	671	740	12	0,19	2,44	0,73	31	
	Farmsugro 180	6	13,05	13,51	79	1,79	2,15	1,29	1,63	2,55	2,46	0,85	11,43	3,02	3,77	2,85	1,69	3,90	25	113	69	635	730	15	0,16	2,48	0,74	31	
	Arabesk	8	13,73	13,71	79	1,75	2,12	1,31	1,66	2,62	2,46	0,85	10,60	2,96	3,70	2,85	1,71	3,86	22	91	37	674	732	13	0,18	2,60	0,78	34	
	Albanus	8	13,80	13,72	76	1,74	2,20	1,29	1,70	2,57	2,39	0,80	10,18	2,77	3,55	2,79	1,64	3,63	22	91	34	680	735	13	0,19	2,59	0,78	34	
	Arsky	8	13,54	13,65	75	1,60	2,03	1,14	1,53	2,42	2,31	0,76	9,81	2,75	3,47	2,66	1,63	3,64	22	93	45	672	741	12	0,19	2,42	0,73	31	
	ES Willy	8	13,68	13,73	76	1,76	2,21	1,25	1,65	2,54	2,38	0,79	9,86	2,81	3,53	2,85	1,65	3,64	22	95	40	667	733	14	0,18	2,50	0,75	36	
	Margo	8	13,56	13,66	75	1,67	2,13	1,22	1,63	2,48	2,35	0,80	9,79	2,78	3,50	2,70	1,63	3,65	22	96	41	670	739	12	0,18	2,49	0,75	28	
	KWS Lupus	8	13,35	13,56	71	1,63	2,18	1,17	1,64	2,37	2,22	0,72	9,08	2,60	3,29	2,57	1,53	3,40	23	94	42	672	745	12	0,18	2,34	0,70	28	
	GK Emese	8	13,05	13,54	82	1,78	2,06	1,25	1,52	2,63	2,53	0,85	10,86	3,12	3,88	2,94	1,75	4,09	24	119	71	631	728	14	0,13	2,30	0,69	32	
	ASM-DS-D1	8	13,57	13,60	74	1,73	2,24	1,30	1,76	2,61	2,35	0,81	9,48	2,71	3,49	2,73	1,61	3,45	25	98	36	678	739	13	0,18	2,24	0,67	30	
	ASM-DS-R1	8	13,61	13,67	78	1,78	2,18	1,29	1,65	2,57	2,46	0,86	9,83	2,90	3,70	2,90	1,69	3,80	23	100	40	667	732	13	0,19	2,43	0,73	34	
	STH 20003	8	13,58	13,62	75	1,77	2,26	1,31	1,75	2,57	2,40	0,85	9,41	2,75	3,53	2,78	1,62	3,53	24	101	35	677	738	12	0,18	2,48	0,74	30	
	STH 18120	8	13,42	13,61	77	1,76	2,17	1,28	1,65	2,62	2,45	0,83	9,98	2,89	3,63	2,85	1,67	3,71	24	102	43	659	732	14	0,20	2,27	0,68	33	
	RHS 2112	4	13,44	13,67	75	1,63	2,05	1,23	1,63	2,53	2,31	0,81	9,68	2,82	3,52	2,75	1,67	3,67	20	100	43	665	742	11	0,18	1,65	0,50	32	
SEM	121	0,02	0,01	0,43	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,06	0,02	0,02	0,02	0,01	0,03	0,20	0,82	0,94	1,34	0,56	0,09	0,03	0,07	0,02	0,26		
P-Werte	Standort		0,7137	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	0,2557	<,0001	<,0001	<,0001	
	Genotyp		<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	0,0150	0,2917	0,2917	<,0001
	Standort*Genotyp		<,0001	<,0001	<,0001	0,0195	0,0004	0,0102	<,0001	0,0001	<,0001	0,0008	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	0,0006	<,0001	<,0001	0,0046	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	<,0001	0,4713	0,4909	0,4909	<,0001

<sup>1</sup> Analysewerte aus webFuLab, LfL